

# BIOINFORMATICS meeting

BlstrO | ifb

20 juin 2017

IBMP - Salle de séminaires Léon Hirth

*Cette seconde demi-journée de rencontres autour de la bioinformatique a pour objectif de fédérer le réseau de bioinformaticiens sur Strasbourg et ses environs.*

Inscription gratuite mais obligatoire : <http://stras.me/bqfn9>

- 9h00 ✧ Accueil
- 9h10 ✧ Ressources de calculs & stockage sur le campus de l'Esplanade : la plateforme Biolmage – *Jean-Luc Evrard (IBMP)*
- 9h30 ✧ Exploring chromatin regulation by ChIP-Sequencing: From datasets quality assessment, enrichment patterns identification and multi-profiles integration, to the reconstitution of gene regulatory wires describing biological systems behavior – *Marco-Antonio Mendoza-Parra (IGBMC)*
- 10h00 ✧ Problématiques d'une étude transcriptomique multi-espèces et multi-conditions – *Luc Thomès (IBMC)*
- 10h20 ✧ Pause café
- 11h15 ✧ Réflexions sur l'analyse de données de single-cell RNASeq – *Constance Vagne (IGBMC)*
- 11h45 ✧ Whole Genome Sequencing revealed an Alu-mediated tandem duplication in IFT140 in 8 unrelated Mainzer-Saldino syndrome-affected families – *Véronique Geoffroy (IGMA)*
- 12h05 ✧ Analyser des expériences de spectrométrie de masse des protéines entières/natives (top down) pour extraire des nouvelles informations – *Wolfgang Raffelsberger (IGBMC)*
- 12h30 ✧ Fin de la rencontre